

Simulation des chaînes de Markov

Ana Bušić

INRIA - ENS

`http://www.di.ens.fr/~busic/
ana.busic@inria.fr`

Master COSY - UVSQ

Versailles, février 2011

Rappels

Nous avons vu :

- ▶ Représentation des chaînes de Markov par des SED.
- ▶ Simulation MCMC.
- ▶ Simulation parfaite par couplage depuis le passé.
- ▶ Cas monotone (et anti-monotone).

Rappels

Nous avons vu :

- ▶ Représentation des chaînes de Markov par des SED.
- ▶ Simulation MCMC.
- ▶ Simulation parfaite par couplage depuis le passé.
- ▶ Cas monotone (et anti-monotone).

Quelques remarques/problèmes :

- ▶ Temps de couplage ?
- ▶ Garder la suite aléatoire en mémoire ?
- ▶ SED non-monotones ?

Temps de couplage

En général un problème très difficile.

Quelques résultats théoriques dans des files d'attente :

- ▶ Une file M/M/1/C. Pire cas : $\lambda = \mu$. $O(C^2)$.
- ▶ Réseaux de Jackson avec les capacités finies :

Pour un réseau acyclique de K files M/M/1/C, on peut montrer que $\mathbb{E}\tau^b \leq \alpha(\lambda, \mu)KC^2$ [Dopper, Gaujal, Vincent, 2006], alors que la taille de l'espace d'état est $N = C^K$.

Read-once randomness (Wilson 1999)

Algorithme Propp & Wilson : on recommence les trajectoires en partant des temps $-N_1, -N_2, \dots$ (avec $N_1 < N_2 < \dots$) jusqu'à j tel que $|S_{N_j}| = 1$, où $S_{N_j} \stackrel{\text{def}}{=} \mathcal{X} \cdot a_{N_j \rightarrow 1}$.

Problème : **garder la suite aléatoire en mémoire peut être très cher** (dépend du temps de couplage!)

Read-once randomness (Wilson 1999)

Algorithme Propp & Wilson : on recommence les trajectoires en partant des temps $-N_1, -N_2, \dots$ (avec $N_1 < N_2 < \dots$) jusqu'à j tel que $|S_{N_j}| = 1$, où $S_{N_j} \stackrel{\text{def}}{=} \mathcal{X} \cdot a_{N_j \rightarrow 1}$.

Problème : **garder la suite aléatoire en mémoire peut être très cher** (dépend du temps de couplage !)

En pratique : garder les "seed" utilisées pour générer les sous-séquences - peut mener à toute sorte des comportements inattendus et gênants (à éviter !!)

Wilson's modification

[Wilson 1999] Idée : une sorte de couplage en avant mais où on n'arrete pas la simulation au moment même du couplage - on continue encore pendant **un certain temps aléatoire**.

Wilson's modification

[Wilson 1999] Idée : une sorte de couplage en avant mais où on n'arrete pas la simulation au moment même du couplage - on continue encore pendant **un certain temps aléatoire**.

Comment définir ce temps ?

Wilson's modification

[Wilson 1999] Idée : une sorte de couplage en avant mais où on n'arrete pas la simulation au moment même du couplage - on continue encore pendant **un certain temps aléatoire**.

Comment définir ce temps ?

On commence par faire quelques observations sur le couplage depuis le passé...

Observation I

Pour le cas monotone, on a utilisé les temps
 $(N_1, N_2, N_3, N_4 \dots) = (1, 2, 4, 8, \dots)$ mais toute suite strictement
croissante marche aussi.

Observation I

Pour le cas monotone, on a utilisé les temps
 $(N_1, N_2, N_3, N_4 \dots) = (1, 2, 4, 8, \dots)$ mais toute suite strictement
croissante marche aussi.

*On peut même prendre une suite **aléatoire** strictement croissante !*

Observation I

Pour le cas monotone, on a utilisé les temps $(N_1, N_2, N_3, N_4, \dots) = (1, 2, 4, 8, \dots)$ mais toute suite strictement croissante marche aussi.

*On peut même prendre une suite **aléatoire** strictement croissante !*

Preuve : soit $N_1 < N_2 < \dots$ une suite aléatoire d'entiers, indépendante de la suite aléatoire des événements tirés. Alors sachant (N_1, N_2, \dots) l'algorithme renvoie un échantillon non-biaisé de π . Cela est vrai pour toute réalisation de (N_1, N_2, \dots) , ainsi l'algorithme (avec les temps (N_1, N_2, \dots) aléatoires) donne un échantillon non-biaisé de π .

Observation II

Continuer l'algorithme depuis encore plus loin dans le passé n'est pas gênant !

(à part pour le temps supplémentaire d'exécution de l'algorithme)

Observation II

Continuer l'algorithme depuis encore plus loin dans le passé n'est pas gênant !

(à part pour le temps supplémentaire d'exécution de l'algorithme)

Preuve : si $|S_n| = 1$ pour un $n \in \mathbb{N}$, alors pour tout $m > n$, on a $S_m = S_n$.

Choix de la suite aléatoire

Comment choisir la suite **aléatoire** strictement croissante

$$N_1 < N_2 < \dots ?$$

Soit (T_1, T_2, T_3, \dots) une suite aléatoire d'entiers i.i.d. avec la distribution égale à celle du couplage en avant.

Choix de la suite aléatoire

Comment choisir la suite **aléatoire** strictement croissante

$$N_1 < N_2 < \dots ?$$

Soit (T_1, T_2, T_3, \dots) une suite aléatoire d'entiers i.i.d. avec la distribution égale à celle du couplage en avant.

Question

Comment générer (T_1, T_2, T_3, \dots) ?

Choix de la suite aléatoire

Comment choisir la suite **aléatoire** strictement croissante

$$N_1 < N_2 < \dots ?$$

Soit (T_1, T_2, T_3, \dots) une suite aléatoire d'entiers i.i.d. avec la distribution égale à celle du couplage en avant.

Question

Comment générer (T_1, T_2, T_3, \dots) ?

On fixe :

$$\begin{aligned} N_1 &= T_1 \\ N_2 &= T_1 + T_2 \\ N_3 &= T_1 + T_2 + T_3 \\ &\vdots \\ N_n &= N_{n-1} + T_n \end{aligned}$$

Observation III

La probabilité que l'algorithme Propp & Wilson en partant du temps initial $-N_1 = -T_1$ se termine (couplage avant le temps 0) est au moins $1/2$.

Observation III

La probabilité que l'algorithme Propp & Wilson en partant du temps initial $-N_1 = -T_1$ se termine (couplage avant le temps 0) est au moins $1/2$.

Preuve : Soit M_1 le temps nécessaire pour coupler en partant du temps $-N_1$ (et dépassant le temps 0 si besoin !)

Alors M_1 et N_1 ont la même distribution et ils sont indépendants, donc :

$$\mathbb{P}(M_1 \leq N_1) = \mathbb{P}(M_1 \geq N_1).$$

Observation III

La probabilité que l'algorithme Propp & Wilson en partant du temps initial $-N_1 = -T_1$ se termine (couplage avant le temps 0) est au moins $1/2$.

Preuve : Soit M_1 le temps nécessaire pour coupler en partant du temps $-N_1$ (et dépassant le temps 0 si besoin !)

Alors M_1 et N_1 ont la même distribution et ils sont indépendants, donc :

$$\mathbb{P}(M_1 \leq N_1) = \mathbb{P}(M_1 \geq N_1).$$

Aussi :

$$\begin{aligned}\mathbb{P}(M_1 \leq N_1) + \mathbb{P}(M_1 \geq N_1) &= 1 - \mathbb{P}(M_1 > N_1) + 1 - \mathbb{P}(M_1 < N_1) \\ &= 2 - (\mathbb{P}(M_1 > N_1) + \mathbb{P}(M_1 < N_1)) \\ &= 2 - (\mathbb{P}(M_1 \neq N_1)) \\ &\geq 2 - 1 = 1.\end{aligned}$$

Donc $\mathbb{P}(M_1 \leq N_1) \geq 1/2$.

Observation III - suite

On peut continuer le raisonnement...

Si l'algorithme ne termine pas en partant de $-N_1$, alors avec la probabilité au moins $1/2$ on observe le couplage avant le temps $-N_1$ en partant du temps $-N_2 = -(N_1 + T_2)$. Plus généralement, avec la probabilité au moins $1/2$ on observe le couplage avant le temps $-N_{j-1}$ en partant du temps $-N_j = -(N_{j-1} + T_j)$.

Observation III - suite

On peut continuer le raisonnement...

Si l'algorithme ne termine pas en partant de $-N_1$, alors avec la probabilité au moins $1/2$ on observe le couplage avant le temps $-N_1$ en partant du temps $-N_2 = -(N_1 + T_2)$. Plus généralement, avec la probabilité au moins $1/2$ on observe le couplage avant le temps $-N_{j-1}$ en partant du temps $-N_j = -(N_{j-1} + T_j)$.

On va dire qu'on a un succès à l'étape j si, en partant du temps $-N_j$, on observe le couplage avant le temps $-N_{j-1}$.

Observation III - suite

On peut continuer le raisonnement...

Si l'algorithme ne termine pas en partant de $-N_1$, alors avec la probabilité au moins $1/2$ on observe le couplage avant le temps $-N_1$ en partant du temps $-N_2 = -(N_1 + T_2)$. Plus généralement, avec la probabilité au moins $1/2$ on observe le couplage avant le temps $-N_{j-1}$ en partant du temps $-N_j = -(N_{j-1} + T_j)$.

On va dire qu'on a un succès à l'étape j si, en partant du temps $-N_j$, on observe le couplage avant le temps $-N_{j-1}$.

Et pour avoir la probabilité de succès égale à $1/2$, au cas ou on observe le couplage exactement au temps $-N_{j-1}$, on tire une pièce non-biaisée et avec proba $1/2$ on déclare le succès, et sinon l'échec.

Modification de Wilson

L'algorithme (juste, mais un peu artificiel!) qui consiste à recommencer depuis les temps $-N_j$ jusqu'au succès donne bien un échantillon non-biaisé de π .

Modification de Wilson

L'algorithme (juste, mais un peu artificiel !) qui consiste à recommencer depuis les temps $-N_j$ jusqu'au succès donne bien un échantillon non-biaisé de π .

Notons le nombre (aléatoire) d'échec avant le succès par Y . Alors Y est une variable aléatoire géométrique de paramètre $p = 1/2$:

$$\mathbb{P}(Y = n) = p(1 - p)^n.$$

L'itération finale (et succès) commence en $-N_{Y+1}$.

Modification de Wilson

L'algorithme (juste, mais un peu artificiel !) qui consiste à recommencer depuis les temps $-N_j$ jusqu'au succès donne bien un échantillon non-biaisé de π .

Notons le nombre (aléatoire) d'échec avant le succès par Y . Alors Y est une variable aléatoire géométrique de paramètre $p = 1/2$:

$$\mathbb{P}(Y = n) = p(1 - p)^n.$$

L'itération finale (et succès) commence en $-N_{Y+1}$.

Idée de modification de Wilson : trouver un moyen de simuler d'abord les trajectoires depuis $-N_{Y+1}$ jusqu'à $-N_Y$, puis de $-N_Y$ jusqu'à $-N_{Y-1}$... et cela jusqu'au temps 0.

Twin run

Executer deux copies indépendantes de couplage en avant - On s'arrête quand les deux couplent !

On déclare la copie qui a couplé d'abord le **gagnant** et l'autre le **perdant** (avec une pièce non-biaisée pour départager si égalité).

Twin run

Executer deux copies indépendantes de couplage en avant - On s'arrête quand les deux couplent !

On déclare la copie qui a couplé d'abord le **gagnant** et l'autre le **perdant** (avec une pièce non-biaisée pour départager si égalité).

Observation : l'évolution de nos trajectoires depuis le passé en partant de $-N_{Y+1}$ jusqu'à $-N_Y$ a justement la même distribution que celle du gagnant.

Algorithme

- ▶ Choisir Y selon la loi géométrique avec $p = 1/2$.
- ▶ Si $Y = 0$ on a fini. On renvoie la valeur finale du gagnant au moment de couplage du perdant.
- ▶ Sinon on doit continuer la simulation depuis $-N_Y$ jusqu'à 0. Pour simuler les trajectoires de $-N_Y$ jusqu'à $-N_{Y-1}$, on fait un autre twin run et on prend l'évolution du perdant, ou le perdant évolue de 0 jusqu'au couplage du gagnant !

Puis on continue avec un autre twin run indépendant pour $-N_{Y-1}$ jusqu'à $-N_{Y-2}$...

On renvoie la valeur finale du perdant du dernier twin run (au moment du couplage du gagnant du même twin run).

Le cas non-monotone

- ▶ [Kendall 1998] et [Häggeström and Nelander 1998] une idée similaire pour le cas anti-monotone :

$$x \preceq y \Rightarrow x \cdot a \succeq y \cdot a, \forall a \in A.$$

- ▶ [Kendall and Møller 2000] ont introduit une première idée des processus bornants qui enveloppent toutes les trajectoires.
- ▶ [Huber 2004] une idée similaire des processus pour détecter le couplage, mais sans introduire une notion d'ordre sur les états.

Envelope Perfect Sampling Algorithm

[B., Gaujal, Vincent 2008]

- ▶ Hypothèse : (\mathcal{X}, \preceq) est un treillis.
- ▶ Pour $m, M \in \mathcal{X}$, $[m, M] \stackrel{\text{def}}{=} \{x \in \mathcal{X} : m \preceq x \preceq M\}$ un intervalle entre m et M .
- ▶ $\mathcal{I} = \{[m, M] : m, M \in \mathcal{X}, m \preceq M\}$ l'ensemble des intervalles non-vides :
- ▶ Nouvelle fonction de transition $\square : \mathcal{I} \times A \rightarrow \mathcal{I}$ appelée transition enveloppe : pour tout $[m, M] \in \mathcal{I}$ et $a \in A$

$$[m, M] \square a \stackrel{\text{def}}{=} \left[\inf_{m \preceq x \preceq M} \{x \cdot a\}, \sup_{m \preceq x \preceq M} \{x \cdot a\} \right].$$

Extention aux mots finis :

$$[m, M] \square u_{1 \rightarrow n} \stackrel{\text{def}}{=} [m, M] \square u_1 \square u_2 \square \cdots \square u_n.$$

Envelope Perfect Sampling Algorithm

Soient $\perp \stackrel{\text{def}}{=} \inf \mathcal{X}$ et $\top \stackrel{\text{def}}{=} \sup \mathcal{X}$. Le processus $([m_n, M_n])_{n \in \mathbb{N}}$

$$[m_n, M_n] \stackrel{\text{def}}{=} [\perp, \top] \square u_{1 \rightarrow n}$$

est une chaîne de Markov sur l'espace d'états $\mathcal{X} \times \mathcal{X}$, appelée **la chaîne enveloppe**.

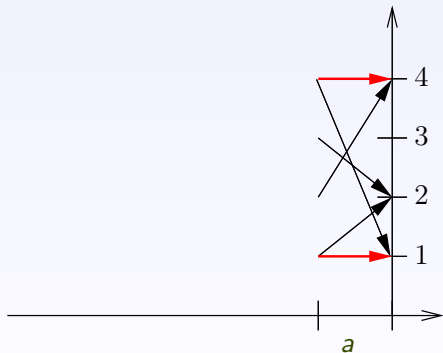
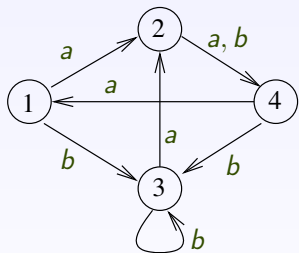
Théorème

Si $[m_n, M_n]$ appartient à $\mathcal{S} = \{[x, x] : x \in \mathcal{X}\}$ pour un n fini :

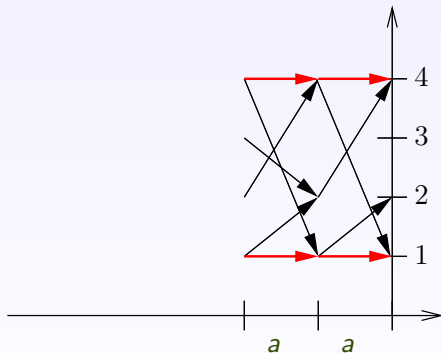
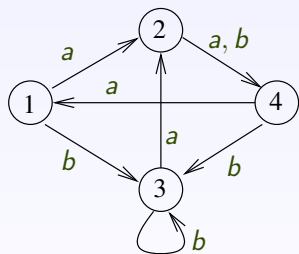
$$\tau_e \stackrel{\text{def}}{=} \min \left\{ n : [\perp, \top] \square u_{-n+1 \rightarrow 0} \in \mathcal{S} \right\},$$

alors τ_e est le temps de couplage depuis le passé de la chaîne enveloppe. L'état défini par $[\perp, \top] \square u_{-\tau_e+1 \rightarrow 0}$ est distribué selon π .

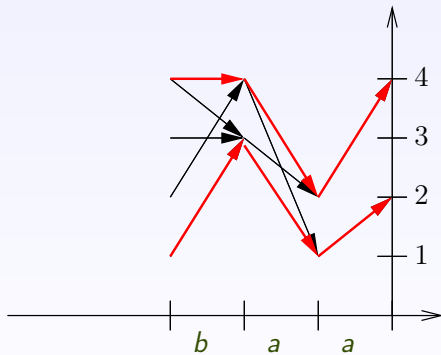
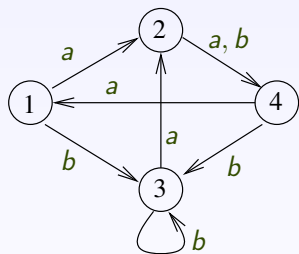
Exemple



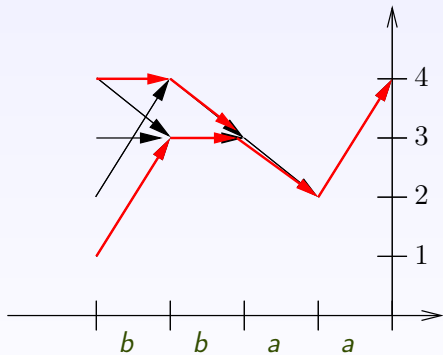
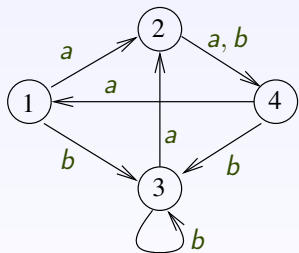
Exemple



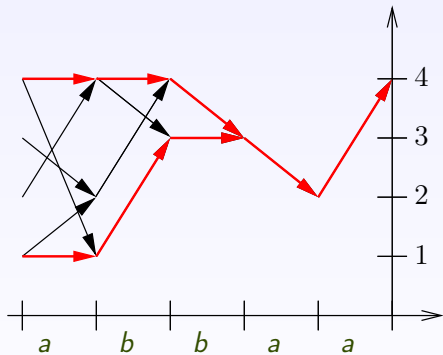
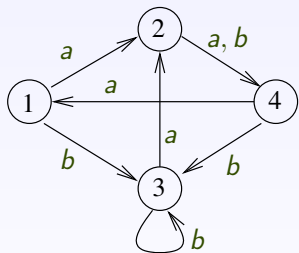
Exemple



Exemple



Exemple



Envelope Perfect Sampling Algorithm (EPSA)

Data: suite i.i.d. $(u_{-n})_{n \in \mathbb{N}} \in A^{\mathbb{N}}$; l'opération enveloppe \square

Result: Un état de \mathcal{X} distribué selon π .

begin

$n = 1$; $m := \perp$; $M := \top$;

repeat

for $i = n - 1$ **downto** 0 **do**

$[m, M] := [m, M] \square u_{-i}$;

$n := 2n$;

until $m = M$;

$x^* := m$;

return x^* ;

end

Complexité : $O(\mathcal{C}_e \times \tau_e)$ (à comparer avec $O(\mathcal{C} \times |\mathcal{X}| \times \tau^b)$).

Commentaires

1. L'opération \boxtimes peut être remplacée par une sur-approximation \odot telle que pour tout intervalle $[m, M]$,
 $[m, M] \boxtimes a \subseteq [m, M] \odot a$, sans modifier la validité de l'algorithme.
2. La définition de l'opération enveloppe dépend de la description SED de la chaîne de Markov.
3. si un événement $a \in A$ est monotone, alors pour tout $m \preceq M$,
 $[m, M] \boxtimes a = [m \cdot a, M \cdot a]$.

Si tous les événements sont monotones (ou anti-monotones), alors EPSA coïncide avec la simulation parfaite classique - cas monotone.

Problèmes

- ▶ Il est possible que les enveloppes ne couplent pas même si les vraies trajectoires couplent.
- ▶ Quand les enveloppes couplent, leur temps de couplage peut être plus long que celui des trajectoires.
- ▶ La complexité du calcul des enveloppes peut être trop grande.
Complexité de EPSA : $O(\mathcal{C}_e \times \tau_e)$.
 \mathcal{C}_e ne peut pas être dans $\Omega(N)$ - sinon on ne gagne rien !

Simulation de files d'attentes non monotones

Dans le cas des files d'attentes, les actions sont "homogènes en espace" par partie (i.e. $x \cdot a = x + v_R$ pour x dans la région R) et on a souvent $\mathcal{C} \sim \mathcal{C}_e$. [B., Gaujal, Vincent, 2008].

La différence entre la méthode classique et celle des enveloppes se joue donc sur la comparaison entre $|\mathcal{X}| \times \tau$ et τ_e .

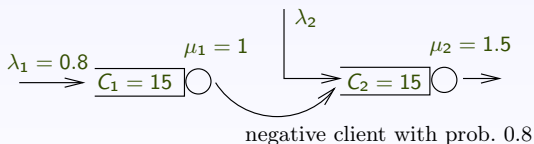


Fig.: Un réseaux de files avec clients négatifs.

Exemple

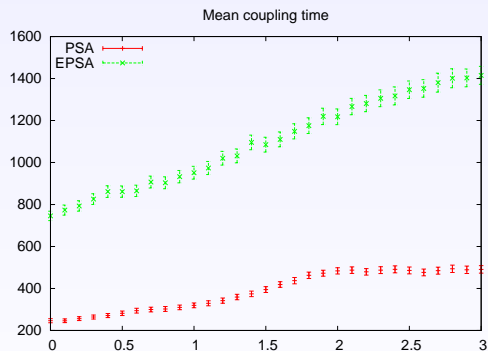


Fig.: Temps moyen de couplage de PSA et de EPSA en fonction de λ_2 .

Files d'attente avec arrivée par lot (batch)

Les clients arrivent et partent par lot. un nouveau lot est accepté si il y a suffisamment de place dans la file. Sinon l'intégralité du lot est rejeté.

- ▶ Les événements 'lot' sont non-monotones.
(Exemple : l'arrivée par lot de taille 2 dans une file de capacité C : $C - 2 < C - 1$ mais $C > C - 1$.)
- ▶ Proposition : EPSA couple si et seulement si les lots de taille 1 peuvent survenir avec une probabilité positive dans chaque file.
- ▶ Les enveloppes peuvent être calculées en temps constant :

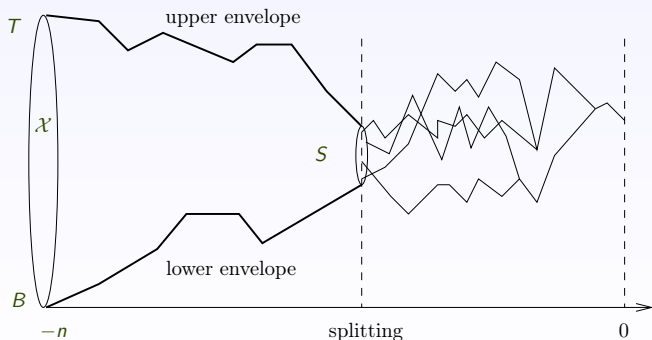
$$m' = \begin{cases} m + k, & M \leq C - k \\ (m + k) \wedge ((C + k - 1) \vee m), & M > C - k. \end{cases}$$

$$M' = \begin{cases} (M + k) \wedge C, & m \leq C - k \\ M, & m > C - k \end{cases}$$

Au delà des enveloppes

Dans le cas où les enveloppes couplent beaucoup plus lentement que les trajectoires elles-mêmes (ou si elles ne couplent pas) :

- ▶ bornes
- ▶ splitting - on peut combiner les avantages des deux méthodes en faisant un éclatement.



Exemple

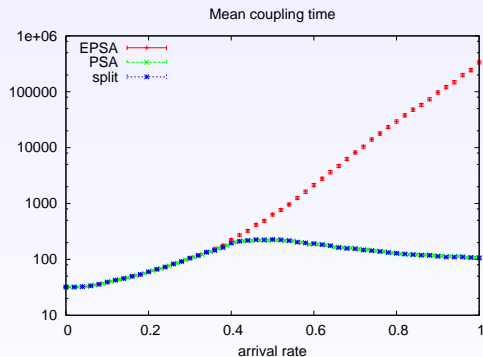
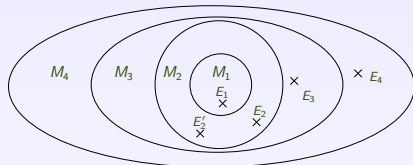


Fig.: Temps moyen de couplage de PSA, EPSA et EPSA avec éclatement pour une file (+2, +3, -1).

Classes



Exemples :

Classes :

- ▶ M_1 - monotone MC.
- ▶ M_2 - non-monotone MC, où la simulation parfaite des enveloppes peut être utilisée efficacement.
- ▶ M_3 - enveloppes qui couplent, mais en prenant plus de temps.
- ▶ M_4 - enveloppes qui ne couplent pas (bornes, splitting).

- ▶ E_1 - un réseau de files d'attente finies avec un routage monotone.
- ▶ E_2 - un réseau comme E_1 avec des clients négatifs.
 E_2' - un réseau comme E_1 avec des noeuds fork/join
- ▶ E_3 - un réseau avec des clients arrivant individuellement et par lot
- ▶ E_4 - un réseau de files d'attente avec des arrivées par lot de taille supérieure à 2.